

CV DIRECTORES

Rol propuesto Dirección del Seminario de Grado.

Nombre y Apellido, (DNI): Tadeo Enrique Saldaño, DNI:34053714.

Título de Grado e institución otorgante (año): Licenciado en Biotecnología, otorgado por la Universidad Nacional de Quilmes, 2018

Título de Posgrado e institución otorgante (año): Doctor en Ciencia y Tecnología de la Universidad Nacional de Quilmes, otorgado por la Universidad Nacional de Quilmes, 2018

Categoría de cargo docente actual, tipo de vinculación, dedicación, Institución académica, carrera, fecha de inicio en tales actividades y vigencia del cargo: Profesor Instructor, planta interina con dedicación parcial. En la Universidad Nacional de Quilmes, dentro de la Diplomatura en Ciencia y Tecnología. Inició en Agosto del 2014 hasta la actualidad.

Categoría como persona Investigadora, Institución otorgante, tema asociado, fecha de inicio en tales actividades y vigencia del cargo: Investigador Postdoctoral, beca PICT, Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación. Inicio de actividades en Febrero 2022 por un plazo de 24 meses.

Proyecto de investigación donde realiza sus tareas de I+D vinculadas a este plan de Seminario de Grado: Proyecto Simulación de procesos moleculares de relevancia Físicoquímica y Biológica - Efecto de mutaciones sobre la dinámica de proteínas, Dirigido por el Prof. Fernandez Alberti Sebastian. Universidad Nacional de Quilmes, vigente hasta Abril 2023. Investigador PostDoctoral. El proyecto es dirigido por la Dra. Maria Silvina Fornasari y codirigido por el Prof. Sebastián Fernández Alberti.

Número de recursos humanos formados, indicando Rol, periodo y tipo:

Uno, en el rol de Co-director desde Febrero 2017 hasta Marzo 2018. Tesis de Licenciatura: "Entropía conformacional y unión proteína-ligando", en la Universidad Nacional de Quilmes.

Mención de las últimas 5 publicaciones/patentes vinculadas con el tema del Seminario:

1. **Saldaño T.**, Escobedo N., Marchetti J., Zea D. J., Mac Donagh J., Velez Rueda A. J., Gonik E., García Melani A., Novomisky Nechcoff J., Salas M. N., Peters T., Demitroff N., Fernandez Alberti S., Palopoli N., Fornasari M. S., Parisi G. *Impact of protein conformational diversity on AlphaFold predictions*.
Doi:<https://doi.org/10.1101/2021.10.27.466189> BioRxiv 2021.10.27. 466189.
(This article is a preprint. Recently accepted for publication in *Bioinformatics*, Oxford University Press. 2022)
2. Barletta G. P., Barletta M., **Saldaño T. E.** and Fernandez Alberti S. *Analysis of changes of cavity volumes in predefined directions of protein motions and cavity flexibility*. J. Comput. Chem. 2021, 1. <https://doi.org/10.1002/jcc.26799>
3. **Saldaño T. E.**, FreixasV. M., Tosatto S. C. E., Parisi G. and Fernandez-Alberti S. *Exploring conformational space with thermal fluctuations obtained by normal mode analysis*. J. Chem. Inf. Model. 2020.
<https://doi.org/10.1021/acs.jcim.9b01136>
4. **Saldaño T. E.**, Tosatto S. C. E., Parisi G., and Fernandez-Alberti S. *Network analysis of dynamically important residues in protein structures mediating ligand-binding conformational changes*. Eur. Biophys. J., 48, 559-568 (2019).
<https://doi.org/10.1007/s00249-019-01384-1>
5. **Saldaño T. E.**, Zanotti G., Parisi G. and Fernandez-Alberti S. *Evaluating the effect of mutations and ligand binding on transthyretin homotetramer dynamics*. PLOS ONE 12(7): e0181019. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0181019> (2017).

Mención de las últimas 5 presentaciones a congresos vinculadas con el tema del Seminario:

1. *IDPfun webinars, a series of talks on Intrinsically Disordered Proteins*. Seminario: *Exploring conformational spaces of proteins by Normal Modes Analysis*. 2021.
2. *YIB-TALKS* ciclo de charlas organizados por el grupo Jóvenes Biofísicos – *The Young Initiative on Biophysics*. 2020. Encuentro virtual, presentación Oral.
3. *16th ISCB Student Council Symposium 2020. Virtual symposium*, Canadá, 2020. Presentación Oral.
4. 5to Simposio Argentino de Jóvenes Investigadores en Bioinformática (5SAJIB). Simposio virtual, Argentina, 2020. Poster.
5. Seminario: “*Exploring conformational space with thermal fluctuations obtained by Normal Mode Analysis*”. Biocomputin UP, Università Degli Studi di Padova, 2019.

A handwritten signature in black ink, featuring a stylized 'T' and the name 'Saldaño' in a cursive script.

Dr. Tadeo Enrique Saldaño

Bernal, 28/03/2022